

### Szczegółowy opis medyczny

| Deskryptor                        | Znaczenie (opis)                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                  |
|-----------------------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <b>Dane identyfikujące</b>        |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
| patient_id                        | Zanonimizowany identyfikator pacjenta                                                                                                                                                                                                                                                                                                             |
| patient_age                       | Wiek pacjenta                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| mri_source                        | Źródło pochodzenia danych:<br>DCO – Dolnośląskie Centrum Onkologii, Pulmonologii i Hematologii z siedzibą we Wrocławiu<br>ZEW – źródło zewnętrzne                                                                                                                                                                                                 |
| <b>Diagnoza kliniczna</b>         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
| clinical_group                    | Sytuacja kliniczna pacjenta:<br>BN – pacjenci, u których nie wykonywano wcześniej biopsji;<br>TN – pacjenci, u których nie rozpoczęto leczenia (negatywne poprzednie biopsje);<br>AS – pacjenci z grupy active surveillance monitorowani we wczesnej fazie rozwoju raka stercza;<br>R – pacjenci z podejrzeniem wznowienia procesu nowotworowego. |
| prior_biopsies                    | Liczba wcześniejszych biopsji                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| dre_result                        | Wynik badania <i>per rectum</i> : 0 – negatywny, 1 – pozytywny.                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
| psa_result                        | Poziom PSA (ng/mL) z danych historycznych powiązanych z badaniem MRI                                                                                                                                                                                                                                                                              |
| prostate_volume_us                | Objętość prostaty wyznaczona podczas biopsji fuzyjnej na podstawie USG                                                                                                                                                                                                                                                                            |
| psa_density_us                    | Poziom gęstości PSA w odniesieniu do pomiaru objętości na USG                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| prostate_volume_mri               | Objętość prostaty wyznaczona na podstawie MRI w oparciu o manualną segmentację prostaty (obrysy anatomiczne wykonane przez radiologa)                                                                                                                                                                                                             |
| psa_density_mri                   | Poziom gęstości PSA w odniesieniu do pomiaru objętości na USG                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| tnm_clinical_t                    | Cecha T 1 klinicznego TNM określająca wielkość guza pierwotnego                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
| <b>Diagnoza radiologiczna</b>     |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
| no_of_lesions                     | Wartość określająca liczbę zweryfikowanych spójnie ognisk podejrzanych dla danego pacjenta. Procedura adnotacji zakładała spójne wizualnie oznaczenie obszarów podejrzanych w przypadku przypisania im wartości PI-RADS $\geq 3$ przez minimum dwóch z trzech radiologów.                                                                         |
| <b>Diagnoza histopatologiczna</b> |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
| no_of_positive                    | Wartość określająca liczbę zweryfikowanych pozytywnie ognisk u danego pacjenta (wynik biopsji celowanej dla danego TBx_lesion = 1)                                                                                                                                                                                                                |
| is_TBx                            | Pole określające czy wykonywano biopsję celowaną: 1- tak, 0 – nie                                                                                                                                                                                                                                                                                 |
| TBx_acc_num                       | Ilość odcinków pobranych z biopsji celowanej; wartość przypisana dla każdej zidentyfikowanej spójnie przez radiologów zmiany (wyniki dla różnych zmian oddzielono przecinkami) Dla zmian, które zostały dodatkowo wykryte podczas analizy zbioru danych a nie były poddane biopsji wpisywana jest wartość N/A.                                    |
| TBx_acc_len                       | Długość odcinków pobranych z biopsji celowanej; wartość przypisana dla każdej zidentyfikowanej spójnie przez radiologów zmiany (wyniki dla różnych zmian oddzielono przecinkami). Dla zmian, które zostały                                                                                                                                        |

|                   |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 |
|-------------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|                   | dodatkowo wykryte podczas analizy zbioru danych a nie były poddane biopsji wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                          |
| TBx_occ_num       | Ilość odcinków zajętych z biopsji celowanej; wartość przypisana dla każdej zidentyfikowanej spójnie przez radiologów zmiany (wyniki dla różnych zmian oddzielono przecinkami). Dla zmian, które zostały dodatkowo wykryte podczas analizy zbioru danych a nie były poddane biopsji wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                  |
| TBx_occ_len       | Długość odcinków zajętych z biopsji celowanej; wartość przypisana dla każdej zidentyfikowanej spójnie przez radiologów zmiany (wyniki dla różnych zmian oddzielono przecinkami). Dla zmian, które zostały dodatkowo wykryte podczas analizy zbioru danych a nie były poddane biopsji wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                |
| TBx_lesions       | Wartość określająca wynik z biopsji celowanej: 1 – pozytywna, 0 – negatywna; wartość przypisana dla każdej zidentyfikowanej spójnie przez radiologów zmiany (wyniki dla różnych zmian oddzielono przecinkami). Dla zmian, które zostały dodatkowo wykryte podczas analizy zbioru danych a nie były poddane biopsji wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                  |
| TBx_case          | <p>Wartość określająca wynik z biopsji celowanej: 1 – pozytywna, 0 – negatywna. Wartość przypisana dla całego przypadku, będąca wypadkową ze wszystkich zmian. Wynik jest pozytywny (1) jeśli choć jedna ze zmian dała wynik pozytywny. Wynik jest negatywny (0) jeśli wszystkie biopsjowane zmiany dały wynik negatywny. W przypadku wystąpienia wartości N/A dla którejkolwiek ze zmian dla danego pacjenta (dodatkowo wykryte ogniska, które nie były uprzednio poddane biopsji) wynik biopsji dla danego przypadku uznawany jest za nieokreślony – wartość N/A.</p> <p>UWAGA: Wyniki biopsji uznawany jest także za nieokreślony (wartość N/A) w przypadku, gdy na etapie analizy danych nie udało się potwierdzić radiologicznie w sposób spójny obecności biopsjowanych ognisk (biopsja jakiegoś obszaru dała wynik pozytywny a nie udało się go zlokalizować radiologicznie) lub nie uzyskano spójnej korelacji pomiędzy zidentyfikowanymi ogniskami a wynikami biopsji (potencjalne błędy w przekazywaniu danych, błędy w dokumentacji, przeoczone zmiany na etapie biopsji, itp.).</p> |
| is_SBx            | Pole określające czy wykonywano biopsję systematyczną: 1 – tak, 0 – nie.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                        |
| SBx_acc_num_right | Ilość odcinków pobranych z prawego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                |
| SBx_acc_len_right | Długość odcinków pobranych z prawego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                              |
| SBx_occ_num_right | Ilość odcinków zajętych z prawego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 |
| SBx_occ_len_right | Długość odcinków zajętych z prawego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                               |

|                  |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                       |
|------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| SBx_acc_num_left | Ilość odcinków pobranych z lewego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                       |
| SBx_acc_len_left | Długość odcinków pobranych z lewego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| SBx_occ_num_left | Ilość odcinków zajętych z lewego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                        |
| SBx_occ_len_left | Długość odcinków zajętych z lewego płata prostaty w biopsji systematycznej. W przypadku braku biopsji systematycznej wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      |
| SBx_case         | <p>Wartość określająca wynik z biopsji systematycznej: 1 – pozytywna, 0 – negatywna. Wartość przypisana dla całego przypadku, będąca wypadkową ze biopsji obu płatów. Wynik jest pozytywny (1) jeśli uzyskano wynik pozytywny przynajmniej dla jednego płata prostaty. Wynik jest negatywny (0) jeśli wynik z obu płatów prostaty jest negatywny.</p> <p>UWAGA: Wyniki biopsji uznawany jest także za nieokreślony (wartość N/A) w przypadku, gdy na etapie analizy danych nie udało się potwierdzić radiologicznie w sposób spójny obecności biopciowanych ognisk lub nie uzyskano spójnej korelacji pomiędzy zidentyfikowanymi ogniskami a wynikami biopsji (potencjalne błędy w przekazywaniu danych, błędy w dokumentacji, itp.).</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                             |
| is_cancer        | Wartość określająca czy u pacjenta potwierdzono obecność procesu nowotworowego poprzez uzyskanie pozytywnych próbek z dowolnego typu biopsji (bez względu na poziom agresywności)                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| TBx_SBx_state    | <p>Wartość określająca kliniczny obraz pacjenta po biopsjach: 1 – przypadek pozytywny, 0 – przypadek negatywny. Wartość ta jest istotna z punktu widzenia zagadnień klasyfikacji i stratyfikacji klinicznie istotnego raka prostaty.</p> <p>Wynik jest pozytywny (1) jeśli wynik biopsji celowanej jest pozytywny (TBx_case = 1), bez względu na wynik biopsji systematycznej. Wynik jest negatywny (0) jeśli wynik biopsji celowanej jest negatywny (TBx_case = 0) oraz wynik biopsji systematycznej jest negatywny (SBx_case = 0).</p> <p>Z punktu widzenia tej zmiennej istotne są przypadki, kiedy wartość może przyjąć wartość N/A:</p> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. W przypadku, gdy wynik biopsji celowanej jest negatywny (TBx_case = 0) a wynik biopsji celowanej jest pozytywny (SBx_case = 1) obraz kliniczny pacjenta uznawany jest za niespójny – wiemy, że pacjent posiada wynik pozytywny, ale nie wiemy nic na temat lokalizacji obszarów zmienionych, co nie pozwala potwierdzić i zweryfikować wyników modeli AI.</li> <li>2. W przypadku, gdy wartość N/A pojawiła się dla wyniku biopsji celowanej (TBx_case = N/A), co automatycznie implikuje trudności w ocenie obrazu</li> </ol> |

|                         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    |
|-------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|                         | klinicznego pacjenta – brak korelacji między zidentyfikowanymi ogniskami a biopsją lub trudności w spójnej identyfikacji zmian i uwiarygodnieniu wyników biopsji sprawiają, że nie można rzetelnie potwierdzić i zweryfikować wyników modeli AI.                                                                   |
| Cribiform               | Wartość określająca czy w obrazie histopatologicznym zidentyfikowana została cecha cibriform: 1 – tak, 0 – nie.                                                                                                                                                                                                    |
| Gs_primary              | Wartość określająca wiodący charakter utkania nowotworu. Wartość w skali 3-5.                                                                                                                                                                                                                                      |
| Gs_secondary            | Wartość określająca drugorzędny charakter utkania nowotworu<br>Wartość w skali 3-5.                                                                                                                                                                                                                                |
| Gs_total                | Wypadkowy <i>Gleason Score</i> określający charakter utkania nowotworu. Podawana wartość jest wynikiem na poziomie pacjenta (sumaryczną analizą w wszystkich próbek ze wszystkich zlokalizowanych podczas biopsji zmian).                                                                                          |
| Isup_group              | Wartość określająca przynależność do określonej grupy ISUP, tzw. <i>ISUP Grade Group</i> określającej stopień złośliwości nowotworu                                                                                                                                                                                |
| tnm_pathological_t      | Cecha T patologicznego TNM określająca wielkość guza pierwotnego (wartości według słownika TNM)                                                                                                                                                                                                                    |
| postoperative_margin    | Wartość określająca margines pooperacyjny (dla zabiegów prostatektomi). Wartość obecna jedynie w przypadku wykonania zabiegu prostatektomi w DCO.                                                                                                                                                                  |
| gs_post                 | Wypadkowy Gleason Score określający charakter utkania nowotworu z wyniku prostatektomi                                                                                                                                                                                                                             |
| isup_group_post         | Wartość określająca przynależność do określonej grupy ISUP, tzw. <i>ISUP Grade Group</i> określającej stopień złośliwości nowotworu po prostatektomi                                                                                                                                                               |
| tnm_pathological_t_post | Cecha T patologicznego TNM po zabiegu prostatektomi określająca wielkość guza pierwotnego (wartości według słownika TNM)                                                                                                                                                                                           |
| tnm_pathological_n_post | Cecha N patologicznego TNM po zabiegu prostatektomi określająca stan regionalnych węzłów chłonnych (wartości według słownika TNM)                                                                                                                                                                                  |
| tnm_pathological_m_post | Cecha M patologicznego TNM po zabiegu prostatektomi określająca brak lub obecność przerzutów odległych (wartości według słownika TNM)                                                                                                                                                                              |
| <b>Prognoza</b>         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    |
| eau_risk                | Wartość określająca grupa ryzyka według EAU                                                                                                                                                                                                                                                                        |
| <b>Terapia</b>          |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    |
| treatment               | Rodzaj terapii:<br>N/A – Brak danych o leczeniu (pacjent leczony w innym ośrodku)<br>P – Prostatektomia<br>R – Radioterapia<br>AS – Active Surveillance (aktywna obserwacja)<br>WW - Watchfull waiting (obserwacja)<br>LS – Leczenie systemowe<br>B – Brak leczenia (typowo dla pacjentów bez potwierdzonego raka) |

### Szczegółowy opis radiologiczny

| Deskryptor                 | Znaczenie (opis)                                                                                                                                                                                                                                                                                                                |
|----------------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <b>Dane identyfikujące</b> |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 |
| patient_id                 | Zanonimizowany identyfikator pacjenta                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| radiologist_id             | Unikalny id radiologa wykonującego adnotację zmiany                                                                                                                                                                                                                                                                             |
| lesion_id                  | id zmiany wskazujący do której zidentyfikowanej radiologicznie zmiany w ramach danego przypadku odnosi się stworzona adnotacja                                                                                                                                                                                                  |
| TBx                        | Wartość określająca wynik z biopsji celowanej: 1 – pozytywna, 0 – negatywna. W przypadku gdy ognisko nie było biopsjowane wpisywana jest wartość N/A.                                                                                                                                                                           |
| dimension                  | Wartość określająca rozmiar zmiany (w mm)                                                                                                                                                                                                                                                                                       |
| lesion_dim_sequence        | Wartość określająca na której sekwencji zmierzono zmianę.                                                                                                                                                                                                                                                                       |
| lesion_sectors             | Lista zawierająca symboliczne oznaczenia wszystkich sektorów, w których zlokalizowana jest zmiana (uwzględniająca wszystkie sektory wraz z ich lokalizacją horyzontalną i wertykalną). Lista sektorów referuje na sektorowy podział prostaty przedstawiony w standardzie PI-RADS v 2.1. Kolejne sektory oddzielono przecinkami. |
| 5 lesion_sectors_simple    | Uproszczona lista sektorów w których zlokalizowana jest zmiana, ograniczona jedynie do 9 głównych (bez połączenia z lokalizacją horyzontalną i wertykalną). Lista sektorów referuje na sektorowy podział prostaty przedstawiony w standardzie PI-RADS v 2.1. Kolejne wartości oddzielono przecinkami.                           |
| lesion_zones               | Lista zawierająca strefy, w których zlokalizowana jest zmiana. Kolejne wartości oddzielono przecinkami.                                                                                                                                                                                                                         |
| 5 lesion_originating       | Strefa z której wywodzi się zmiana (strefa wykorzystywana do zastosowania odpowiednich reguł oceny PI-RADS)                                                                                                                                                                                                                     |
| lesion_side                | Strona po której zlokalizowana jest zmiana (lokalizacja horyzontalna)                                                                                                                                                                                                                                                           |
| lesion_t2w_pz              | Wartość określająca ocenę zmiany w skali PI-RADS na sekwencji T2W (dla zmian zlokalizowanych w strefie PZ). Skala 1-5. Wartość X oznacza sekwencję nie diagnostyczną (o ograniczonej jakości).                                                                                                                                  |
| lesion_t2w_tz              | Wartość określająca ocenę zmiany w skali PI-RADS na sekwencji T2W (dla zmian zlokalizowanych w strefie TZ). Skala 1-5. Wartość X oznacza sekwencję nie diagnostyczną (o ograniczonej jakości).                                                                                                                                  |
| lesion_dwi                 | Wartość określająca ocenę zmiany w skali PI-RADS na sekwencjach DWI/ADC. Skala 1-5. Wartość X oznacza sekwencję nie diagnostyczną (o ograniczonej jakości).                                                                                                                                                                     |
| lesion_dce                 | Wartość określająca ocenę zmiany (wzmocnienie kontrastowe) w skali PI-RADS na sekwencjach DCE: 0 – ujemne (-), 1 – dodatnie (+). Wartość X oznacza sekwencję nie diagnostyczną (o ograniczonej jakości).                                                                                                                        |
| lesion_pirads              | Wypadkowa wartość oceny PI-RADS dla zmiany. Skala 1-5.                                                                                                                                                                                                                                                                          |
| patient_pirads             | Wypadkowa wartość oceny PI-RADS dla przypadku z którego pochodzi zmiana. Skala 1-5.                                                                                                                                                                                                                                             |
| lesion_t2w_pz_cat          | Wartość określająca ocenę zmiany w skali PI-RADS na sekwencji T2W (dla zmian zlokalizowanych w strefie PZ) z podziałem na dodatkowe podkategorie ocen, które referują na unikalne strukturyzowane cechy zmiany<br><br>T2W PI-RADS (PZ):<br>1 - Uniform hyperintense signal intensity (normal)                                   |

|                   |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                               |
|-------------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|                   | <p>2a - Linear or wedge-shaped hypointensity</p> <p>2b - Diffuse mild hypointensity, usually indistinct margin</p> <p>3 - Includes others that do not qualify as 2, 4, or 5</p> <p>4 - Circumscribed, homogenous moderate hypointense focus/mass confined to prostate and &lt;1.5 cm in greatest dimension</p> <p>5a - Same as 4 but ≥1.5cm in greatest dimension</p> <p>5b - Definite extraprostatic extension/invasive behavior</p> <p>X - Lesion not evaluable</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                         |
| lesion_t2w_tz_cat | <p>Wartość określająca ocenę zmiany w skali PI-RADS na sekwencji T2W (dla zmian zlokalizowanych w strefie TZ) z podziałem na dodatkowe podkategorie ocen, które referują na unikalne strukturyzowane cechy zmiany.</p> <p>T2W PI-RADS (TZ)</p> <p>1 - Normal appearing TZ</p> <p>2 - Round, completely encapsulated nodule</p> <p>2a - A mostly encapsulated nodule</p> <p>2b - Homogeneous circumscribed nodule without encapsulation ("atypical nodule")</p> <p>2c - Homogeneous mildly hypointense area between nodules</p> <p>3a - Heterogeneous signal intensity with obscured margins</p> <p>3b - Includes others that do not qualify as 2, 4, or 5</p> <p>4a - Lenticular, homogeneous, moderately hypointense, and &lt;1.5 cm in greatest dimension</p> <p>4b - Non-circumscribed, homogeneous, moderately hypointense, and &lt;1.5 cm in greatest dimension</p> <p>5a - Lenticular, homogeneous, moderately hypointense, and ≥1.5 cm in greatest dimension</p> <p>5b - Non-circumscribed, homogeneous, moderately hypointense, and ≥1.5 cm in greatest dimension</p> <p>5c - Definite extraprostatic extension/invasive behavior</p> <p>X - Lesion not evaluable</p> |
| lesion_dwi_cat    | <p>Wartość określająca ocenę zmiany w skali PI-RADS na sekwencjach DWI/ADC z podziałem na dodatkowe podkategorie ocen, które referują na unikalne strukturyzowane cechy zmiany oraz wzajemną relację widoczności zmiany pomiędzy sekwencjami ADC i DWI.</p> <p>DWI/ADC PI-RADS</p> <p>1 - No abnormality on ADC and high b-value DWI</p> <p>2a - Linear/wedge shaped hypointense on ADC OR linear/wedge shaped hyperintense on high b-value DWI</p> <p>2b - Linear/wedge shaped hypointense on ADC AND linear/wedge shaped hyperintense on high b-value DWI</p> <p>2c - Non-focal hypointense on ADC OR hyperintense on high b-value DWI</p> <p>2d - Non-focal hypointense on ADC AND hyperintense on high b-value DWI</p> <p>3a - Focal (discrete and different from the background) hypointense on ADC OR focal hyperintense on high b-value DWI; may be markedly</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                       |

|  |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      |
|--|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|  | <p>hypointense on ADC or markedly hyperintense on high b-value DWI, but not both</p> <p>3b - Focal (discrete and different from the background) hypointense on ADC AND focal hyperintense on high b-value DWI; may be markedly hypointense on ADC or markedly hyperintense on high b-value DWI, but not both</p> <p>4 - Focal markedly hypointense on ADC and markedly hyperintense on high b-value DWI; &lt;1.5cm in greatest dimension</p> <p>5a - Same as 4 but <math>\geq 1.5</math>cm in greatest dimension</p> <p>5b - Definite extraprostatic extension/invasive behavior</p> <p>X - Lesion not evaluable</p> |
|--|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|